

<223>

primer

## SEQUENCE LISTING

<110> FATHALLAH-SHAYKH, Hassan M.

```
<120> METHODS FOR ELIMINATING FALSE DATA FROM COMPARATIVE DATA MATRICES
        AND FOR QUANTIFYING DATA MATRIX QUALITY
<130> 047940-0148
<140>
      us 10/633,875
<141>
       2003-08-04
<150>
      US 60/400,911
      2002-08-02
<151>
<160>
      44
<170> PatentIn version 3.2
<210>
       \overline{2}2
<211>
<212>
      DNA
<213>
      Artificial sequence
<220>
<223>
      primer
<400> 1
                                                                          22
caaggtcatc cctgagctga ac
<210>
      23
<211>
<212> DNA
<213> Artificial sequence
<220>
<223>
       primer
<400> 2
                                                                          23
tcgctgttga agtcagagga gac
       3
22
<210>
<211>
<212>
       DNA
<213>
       Artificial sequence
<220>
<223>
       primer
<400> 3
                                                                          22
caagttggct gatgagtcgc tg
<210>
       4
       22
<211>
<212>
       Artificial sequence
<213>
<220>
```

tgattt	ggtc catcccttcc tc	22
<210> <211> <212> <213>	5 22 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> aatgct	5 gtat caaatgcctg gg	22
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> gccatc	6 tcaa atgtaggttt gcag	24
<212>	7 23 DNA Artificial sequence	
<220> < <223>	primer	
	7 agaa tgtggttggt gcc	23
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
	8 tgtc tccagctcct tctc	24
<210> <211> <212> <213>	9 23 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400>	9 aaag agtottggto agg	23

<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> gttgcc	10 agat tgtcacagac gac	23
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> tggctg	11 acca actgactgaa gag	23
<210> <211> <212> <213>	12 25 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> gtaact	12 ctgc ttctgtggga ttctg	25
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> ctcaaa	13 gggt acttccactg atgg	24
<210> <211> <212> <213>	22	
<220> <223>	primer	
<400> caatag	14 gcag atttgggcaa ac	22
<210><211><211><212><213>	15 20 DNA Artificial sequence	

i r

<220> <223>	primer	
<400> atgggca	15 acgt tgctcatcag	20
<210> <211> <212> <213>	16 23 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> tcgttg	16 tcga tgcagtaggt ctc	23
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> tggtct	17 gctc tgtgagtggt ttc	23
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
<400> tgtttc	18 cagc atcaccaggg tc	22
<210> <211> <212> <213>	19 20 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> ccatta	19 agga tgccaacgcc	20
<210> <211> <212> <213>	20 24 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	

gacgtt	catc agctcctggt actc	24
<210> <211> <212> <213>	21 20 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> gcaaat	21 gcac ctcctgcaag	20
<212>	22 22 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
	22 ttac atctgggagc gg	22
<212>	23 22 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> cattct	23 gcac gacgatgagg tg	22
<212>	24 23 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> cagatg	24 aggc tcccaatgtt gac	23
<210> <211> <212> <213>	25 22 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400>	25 cutu gagaaaggaa gg	22

.

<211> <211> <212> <213>	25 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> gcgtgt	26 agtg atactgtgtg accac	25
	27 24 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> tgtgag	27 gaca gacagaaggc aaag	24
<210> <211> <212> <213>	28 24 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> tgggct	28 ggaa gagaccatga agac	24
<210> <211> <212> <213>	29 21 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
<400> gagttc	29 ccag accgcatcat g	21
<212>	24	
<220> <223>	primer .	
<400> gatgtc	30 gtag agtgcctcgt tgtc	24
<210><211><211><212><213>	31 20 DNA Artificial sequence	

<220> <223>	primer		
<400> tgcagco	31 cttc tcagccaaac	20	
<210> <211> <212> <213>			
<220> <223>	primer		
<400> ccacago	32 catc tgggtatttg ttg	23	
<210> <211> <212> <213>	23		
<220> <223>	primer		
<400> tgtgcc	33 agga ctctctttct tcc	23	
<210> <211> <212> <213>	34 24 DNA Artificial sequence		
<220> <223>	primer		
<400> aaggtt	34 cagt gtcccctgtg tcag	24	
<210> <211> <212> <213>	35 24 DNA Artificial sequence		
<220> <223>	primer		
<400> 35 tcaaggacgc tgtgctctac tctg 24			
<210> <211> <212> <213>	36 25 DNA Artificial sequence		
<220> <223>	primer		

<400>	36				
	agta aaggaagaag gtcac			25	
33	3 33 3 3 3				
<210>	37				
<211>	20				
<212>					
<213>	Artificial sequence				
<220>					
<223>	primer				
	•				
<400>				20	
ccayyy	tgtt tggcatgtcc			20	
<210>	38				
<211> <212>	22				
<212> <213>	Artificial sequence				
	, i ci i i cia i sequence				
<220>					
<223>	primer				
<400>	38		)		
	agga gatgaagacc ac			22	
• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •					
<210>	20	,			
<210> <211>	39 23				
<212>	DNA				
<213>	Artificial sequence				
.220.					
<220> <223>	primer				
\ZZ3>	pr mei				
<400>				••	
ccctca	tcag agtcatggtt tcc			23	
		•			
<210>	40				
<211>	23				
<212>					
<213>	Artificial sequence				
<220>					
<223>	primer	•			
400	40				
<400>	tctc cacagagcag cag			23	
ccaccc	tete caeagageag eag			23	
2-2					
<210>	41				
<211> <212>					
<213>	Artificial sequence				
<220>					
<223>	primer				
<400>	41				
	gcat gagggaccac			20	

<210> <211> <212> <213>	42 21 DNA Artificial sequence	
<220> <223>	primer	
	42 ggca tcagggacac c	21
<220> <223>	primer	
	43 acaa ttacctgcca aatg	24
<210> <211> <212> <213>	24	
<220> <223>	primer	
	44 agaa gtcagttgtg ttgg	24